

Aunque en 2026 se ha detectado un menor número de brotes de influenza aviar A(H5N1) en aves y mamíferos en las Américas, el número de casos confirmados de infección humana por influenza aviar A(H5) en trabajadores de establecimientos lecheros supera al registrado en 2025. Ante esta situación y considerando el inicio del período de mayor riesgo de propagación viral asociado a la migración estacional de aves silvestres desde el hemisferio norte hacia América Latina y el Caribe, la Organización Panamericana de la Salud (OPS) instó a los Estados Miembros a fortalecer sus capacidades de vigilancia, detección temprana, investigación epidemiológica, diagnóstico, caracterización virológica, notificación y respuesta oportuna ante casos de infección humana por influenza aviar. Asimismo, destacó la importancia de reforzar la vigilancia en animales, las medidas de prevención y bioseguridad, y los mecanismos de coordinación intersectorial en la interfaz entre la salud humana y animal, bajo el enfoque de Una Salud.

País/territorio	Aves silvestres	Aves domésticas	Mamíferos silvestres	Mamíferos domésticos	Total
Argentina	4	19	–	–	23
Brasil	3	4	–	–	7
Canadá	2	34	–	1	37
Chile	10	45	–	–	55
Colombia	–	2	–	–	2
Costa Rica	1	–	–	–	1
Ecuador	1	–	–	–	1
Estados Unidos	2	278	40	34	354
Honduras	7	2	–	–	9
México	2	2	–	–	4
Perú	20	100	–	–	120
Puerto Rico	–	2	–	–	2
Uruguay	–	1	–	–	1
Total	52	489	40	35	616

Brotes de influenza aviar A(H5N1) notificados a la Organización Mundial de Sanidad Animal en animales, según país o territorio y tipo de animal. Región de las Américas. Año 2026, hasta el 14 de noviembre. Fuente: Organización Mundial de Sanidad Animal.

Situación en la Región de las Américas

En la Región de las Américas, durante 2026 se han notificado brotes de influenza aviar A(H5) en aves y mamíferos, así como casos de infección en humanos.

Brotes de influenza aviar A(H5N1) en animales en las Américas, 2026

En 2026, hasta el 14 de noviembre, 13 países y territorios de la Región de las Américas notificaron a la Organización Mundial de Sanidad Animal (OMSA) un total de 616 brotes de influenza aviar A(H5N1). De estos, 541 brotes correspondieron a aves (52 en aves silvestres y 489 en aves de corral o domésticas) y 75 a mamíferos (40 en mamíferos silvestres y 35 en mamíferos domésticos). Los 13 países notificaron brotes en aves, mientras que dos también registraron brotes en mamíferos.

Ante la circulación continua de virus de la influenza aviar altamente patógena (IAAP) en las Américas y el inicio del período de mayor riesgo asociado con los movimientos estacionales de aves silvestres migratorias desde el hemisferio norte hacia América Latina y el Caribe, la

Organización de las Naciones Unidas para la Alimentación y la Agricultura (FAO) hizo un llamado a fortalecer las medidas de prevención, vigilancia, detección temprana y preparación para la respuesta, especialmente en las zonas situadas a lo largo de las rutas migratorias, los humedales, las lagunas, las áreas costeras y otros lugares donde se concentran aves silvestres, así como en las áreas donde las explotaciones avícolas se encuentran próximas a estos entornos. Por su parte, la OMSA señaló que la vigilancia de aves silvestres puede proporcionar una alerta temprana sobre la circulación viral, incluso antes de que se detecten brotes en explotaciones avícolas, y subrayó la importancia de la detección temprana, el intercambio oportuno de información y el fortalecimiento de las medidas de bioseguridad.

Infecciones humanas con el virus de la influenza aviar A(H5) en las Américas, 2022-2026

Entre enero de 2022 y el 14 de noviembre de 2026, se notificaron 82 infecciones humanas por virus de influenza aviar A(H5) en cinco países de la Región de las Américas (Canadá, Chile, Ecuador, México y Estados Unidos): 78 fueron causadas por virus de influenza A(H5N1), dos por influenza A(H5N2), uno por influenza A(H5) con neuraminidasa (NA) indeterminada y una por influenza A(H5N5). Durante octubre y hasta el 14 de noviembre del 2026, se notificaron en Estados Unidos cuatro casos humanos confirmados de infección por el virus de la influenza aviar A(H5): tres en el estado de Washington, incluido un caso mortal, y un caso en Oregon. Todos estuvieron epidemiológicamente vinculados con la exposición a ganado lechero infectado por influenza A(H5N1). Con la confirmación del caso en Oregon, el número acumulado de infecciones humanas por virus de influenza aviar A(H5) detectadas en Estados Unidos desde abril del 2022 aumentó a 76.

Los tres casos notificados en el estado de Washington en 2026 correspondieron a personas adultas que trabajaban en establecimientos lecheros donde se había detectado el virus A(H5N1) en bovinos. Dos desarrollaron una enfermedad leve, incluidos síntomas oculares y de las vías respiratorias superiores, y no requirieron hospitalización, mientras que el tercero desarrolló una enfermedad respiratoria grave, fue hospitalizado y falleció el 1 de noviembre de 2026. Pruebas adicionales identificaron el virus de la influenza aviar A(H5N1) en todos los casos. La secuenciación genética determinó que todos los casos fueron resultado de infecciones por virus del clado 2.3.4.4b, genotipo B3.13, con alta similitud genética respecto de los virus detectados en el ganado lechero del estado de Washington. Según el Departamento de Agricultura de Estados Unidos, el análisis genético indicó que las detecciones en ganado eran compatibles con la introducción del virus desde Idaho, probablemente mediante la movilización del ganado.

El caso notificado en Oregon correspondió a una persona adulta, trabajadora de un establecimiento lechero en Oregon con exposición ocupacional a ganado lechero infectado por influenza A(H5N1), que presentó conjuntivitis el 10 de noviembre del 2026. El paciente no fue hospitalizado, recibió oseltamivir y se encontraba en recuperación. La infección por el virus de la influenza A(H5) fue confirmada por los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades de Estados Unidos el 18 de noviembre a partir de una muestra conjuntival del paciente; la secuenciación genética identificó el virus como perteneciente al clado 2.3.4.4b, genotipo B3.13, con alta similitud genética respecto del virus detectado en el ganado lechero del estado de Oregon. Este fue el segundo caso humano de infección por el virus de la influenza A(H5) identificado en Oregon y el primero asociado con la exposición a ganado lechero; el caso anterior estuvo asociado con la exposición a aves de corral infectadas. Hasta el 18 de noviembre de 2026, no se había identificado transmisión de persona a persona del virus de la influenza aviar A(H5) en Estados Unidos.