

Influenza aviar: Actualización Abril 2025

Esp. MV. Rodríguez Eugui Juan Ignacio

Dirección Salud Ambiental. Ministerio de Salud Tierra del Fuego

jieugui@tierradelfuego.gob.ar

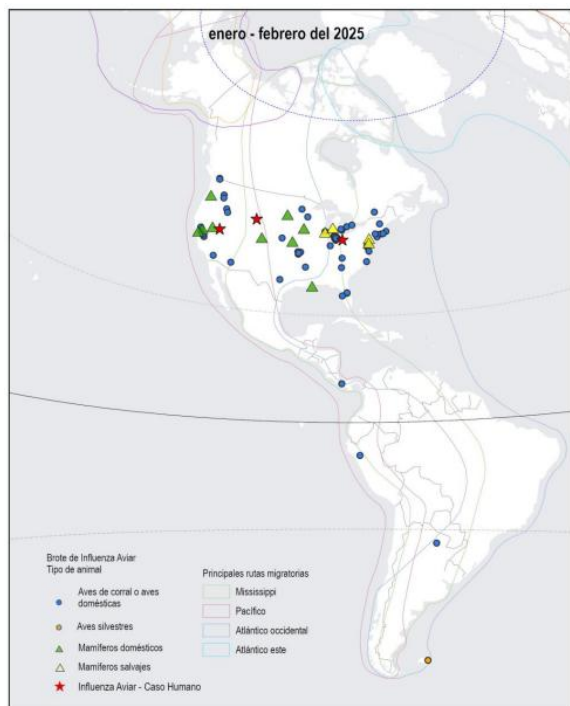
<https://salud.tierradelfuego.gob.ar/boletines-e-informes/>

Situación en Argentina. 2025

El 14 de febrero del corriente año se confirmó nuevamente la reintroducción del virus de la influenza aviar altamente patógena (IAAP) a nuestro país. En esta ocasión el evento se presentó en la localidad de Tres Isletas del departamento de Maipú, provincia de Chaco. En el mismo se registraron 70 casos, dentro de otras 118 aves susceptibles. Las especies afectadas fueron gallinas, pavos y patos.

La ilustración Nº 1 grafica los brotes ocasionados en el continente Americano en el corriente año acorde a especies afectadas. A su vez, describe las potenciales rutas de distribución en relación a las rutas migratorias aviares.

Ilustración 1: Brotes de IA por especies y rutas migratorias de aves silvestres. 2025 hasta febrero. América



En las Islas Malvinas se registraron 7 brotes en aves en el año 2025, resultado positivos Pingüinos papúa y Skúas.

Antecedentes en el país

En el año 2023 Argentina declaró por primera vez la introducción del virus de influenza aviar altamente patógena (IAAP) del subtipo A (H5N1). El primer hallazgo se registró el 14 de febrero de 2023 en la costa de la laguna de Los Pozuelos, en la provincia de Jujuy. En esa ocasión se detectó el virus en un Ganso Andino (*Chloephaga melanoptera*) presentando signología nerviosa, rodeada de otras aves fallecidas. A partir de esa fecha se fueron suscitando diferentes brotes a lo largo del país, en los cuales se vieron afectadas aves silvestres, aves de traspatio y aves de granja, a lo cual se le sumaron posteriormente mamíferos marinos.

Como resultado de las acciones de vigilancia y control, el Servicio Nacional de Calidad y Sanidad Agroalimentaria (SENASA), se autodeclaró libre de dicha enfermedad en animales de producción, ante la OMSA en agosto del 2023.

Los resultados genómicos virales concluyeron que las secuencias del Virus (IAAP) H5N1 son las del clado 2.3.4, coincidente con el genotipo encontrado en los brotes ocurridos a lo largo del continente durante finales de 2022 y comienzos de 2023, dando una cierta idea de la importancia del potencial transporte de este virus por las aves silvestres.

En lo referente al año 2024, siendo el SENASA la autoridad responsable de la vigilancia y control para este tipo de enfermedad, comunicó que no se han detectado casos positivos a IAAP durante el año. De manera complementaria se adjunta tabla N° 1 con datos sobre la vigilancia implantada por la autoridad Sanitaria en el 2023 y 2024.

Tabla 1: Vigilancia Influenza Aviar. SENASA. Argentina. 2023. 2024.

		Serología		Molecular	
		2023	2024	2023	2024
Vigilancia Activa	Aves de traspatio	-	-	2965	3293
	Gallinas de largo ciclo	-	-	5142	5180
	Importaciones	959	1700	959	1981
	Faena	7095	9235	-	-
	Reproductores	3301	1238	-	-
	Fauna Silvestre	-	-	359	595
	Exposición	-	-	-	545
	Compartimentos	-	-	-	509
Vigilancia Pasiva	Aves de traspatio	-	2	3030	293
	Aves de corral	-	-	7659	47
	Aves silvestres	-	-	453	9
	Mamíferos	-	-	179	56
		11355	13575	20746	12508

Las Tablas N° 2, 3 y 4 enumeran las especies animales involucradas en la vigilancia silvestre por parte de SENASA en el 2023 y 2024. (Aquellas en negritas fueron positivas a IA)

Tabla 2: Especies aviarias muestreadas por programa de Vig. Activa. 2023. SENASA. Argentina

Especies Silvestres Muestreadas Activas 2023	
Canastero coludo (<i>Asthenes Pyrrholeuca</i>)	Maca (<i>Podiceps</i> spp)
Correlimos culiblanco (<i>Calidris fuscicollis</i>)	Maca plateado (<i>Podiceps occipitalis</i>)
Cardenal (<i>Paroaria coronata</i>)	Pato (<i>Ana</i> spp)
Cardenal Amarillo (<i>Gubernatrix cristata</i>)	Pato barcino (<i>Anas flavirostris</i>)
Condor andino (<i>Vultur gryphus</i>)	Pato picazo (<i>Netta peposaca</i>)
Cormoran Imperial (<i>Leucocarbo atriceps</i>)	Pato espátula (<i>Spatula plateada</i>)
Fiofio crestiblanco (<i>Elaenia Albiceps</i>)	Pato vapor (<i>Tachyeres pteneres</i>)
Gaviota (<i>Larus</i> spp)	Pato viudata (<i>Dendrocygna viudata</i>)
Gaviota cocinera (<i>Parus dominicanus</i>)	Perdiz (<i>Nothura maculosa</i>)
Gaviotín (<i>Sterna</i> spp)	Pingüino (<i>Spheniscus</i>)
Gaviotín golondrina (<i>Sterna hirundo</i>)	Suirirí (<i>Tyrannus melancholicus</i>)
Guacamayo Rojo (<i>Ara chloropterus</i>)	Ratita (<i>Troglodytes Aedon</i>)
Coludito cola negra (<i>Lepasthenur Aegitaloids</i>)	Monjita diucón (<i>Xolmis Pyrope</i>)
	Chingolo (<i>Zonotrichia Capensis</i>)

Tabla 3. Especies aviarias muestreadas por programa de Vig. Pasiva. 2023. SENASA. Argentina

Especies Silvestres Muestreadas Pasivas 2023	
Bandurria (<i>Thristicus caudatus</i>)	Gaviota cocinera (<i>Larus dominicanus</i>) Ch
Benteveo (<i>Pitangus Sulphuratus</i>)	Gaviotín pico amarillo (<i>Sterna eurygnatha</i>) Ch
Buho (<i>Vbubo</i> spp)	Gaviotín sudamericano (<i>Sterna hirundinacea</i>) Ch
Canario (<i>Serinus canaria</i>)	Gaviotín golondrina (<i>Sterna hirundo</i>)
Carancho (<i>Caraca Plancus</i>)	Gaviotín real (<i>Sterna máxima</i>) Ch
Cauquén común (<i>Chloephaga picta</i>) Sc	Gaviotín pico grueso (<i>Gelochelidón nilotica</i>) Rn
Chimango (<i>Milvago chimango</i>)	Golondrina (<i>Hirundo rustica</i>)
Cisne blanco (<i>Coscoroba coscoroba</i>)	Jilguero (<i>Carduelis carduelis</i>)
Cisne cuello Negro (<i>Cygnus melancoryphus</i>) N, Ch	Jote (<i>Coragyps</i> spp)
Condor andino (<i>Vultur gryphus</i>)	Lechuza (<i>Tytonidae</i>)
Cormorán (<i>Phalacrocorax</i> spp) Ch	Loro (<i>Cyanoliseus</i> spp)
Cotorra (<i>Myiopsitta monachus</i>)	Maca (<i>Podiceps</i> spp)
Flamenco (<i>Phoenicopterus</i> spp) Cat	Paloma (<i>Columbidae</i>)
Gallareta (<i>Fulica armillata</i>) N	Pardelas (<i>Puffinus puffinus</i>)
Ganso (<i>Anser anser</i>)	Pato gargantilla (<i>Anas bahamensis</i>) Co
Ganso andino (<i>Chloephaga melanoptera</i>) J	Patos (<i>Anas</i> spp.)
Garcita bueyera (<i>Bubulcus ibis</i>)	Petrel Gigante (<i>Macronectes giganteus</i>)
Garza blanca (<i>Ardea alba</i>)	Pingüino (<i>Spheniscus magellanicus</i>)
Garza Chiflona (<i>Syrigma Sibilatrix</i>)	Pollona negra (<i>Gallinula chloropus</i>)
Garza mora (<i>Ardea cocoi</i>)	Tero (<i>Vanellus chilensis</i>)
Gavilán (<i>Paratubeo unicintus</i>)	

Provincia de hallazgo:

Sc. Santa Cruz

Ch. Chubut

Cat. Catamarca

N. Neuquén

(En Negrita las especies detectadas positivas).

A este listado de aves se le debe adicionar los 17 brotes, en donde se vieron involucrados mamíferos marinos en las costas de nuestro país, (**Lobo marino de un pelo** (*Otaria flavescens*), **Lobo marino de dos pelos** (*Arctophoca australis*) y **Elefantes marinos** (*Mirounga leonina*)). Estudios posteriores determinaron que podría existir cierta relación con la aparición de aves silvestres marinas positivas en los sitios donde coexistían con estos mamíferos.

SENASA declaró que no se registraron casos de influenza aviar en el país, en ninguna especie, durante el año 2024. La tabla N° 4 enumera las especies muestreadas bajo el programa de vigilancia pasiva y activa. Se enriquece con la tabla N° 1.

Tabla 4: Especies silvestres Programa Vigilancia Activa y Pasiva. 2024. SENASA. Argentina.

	Especies Silvestres Muestreadas	
Pasivo	Cisne cuello Negro (<i>Cygnus melancoryphus</i>)	
	Pingüino de Magallanes (<i>Spheniscus magellanicus</i>)	
	Pirincho (<i>Guiraguira guiraguira</i>)	
Activo	Codorniz Californiana (<i>Callipepla californica</i>)	
	Págalo subantártico (<i>Stercorarius Antarcticus</i>)	
	Flamenco (<i>Phoenicopterus chilensis</i>)	
	Garza (<i>Ardea alba</i>)	
	Gaviota cocinera (<i>Larus dominicanus</i>)	
	Gaviota golondrina (<i>Sterna hirundo</i>)	
	Lobo marino antártico (<i>Arctophoca gazella</i>)	TDF
	Foca de Weddell (<i>Leptonychotes weddellii</i>)	TDF
	Elefante marino (<i>Mirounga leonina</i>)	TDF
	Marsopa de anteojos (<i>Phocoena Dioptrica</i>)	Chubut



Situación Regional

Acorde a los análisis moleculares llevados adelante sobre las variantes de virus circulantes (vigilancia genómica) se detectó que el clado 2.3.4.4b fue la causante de la gran mortandad de aves silvestres y domésticas desde el año 2020, ocurridas en los continentes de África, Asia y Europa. Investigaciones posteriores, han podido determinar que el mismo clado descrito anteriormente, es el circulante en América y es responsable de los eventos en esta región. Se hipotetiza que el virus es producto de una recombinación de cepas de aves silvestres de Europa, y cepas de baja patogenicidad en aves silvestres y domésticas, llevadas adelante en la propagación y diseminación global. (*Cabe destacar que los virus influenza son de alta capacidad de mutación*). Es así que en el 2021, la misma se propagó por América del Norte, y en el año siguiente a América

Central y del Sur, presentando casos en aves de corral, de traspatio y silvestres, durante los años siguientes.

En el año 2022, se produjeron eventos peculiares, en donde 19 países de la región de las Américas notificaron brotes en mamíferos, salvajes como domésticos. De manera resumida se destacan animales de peletería visones, zorros, lobos marinos sudamericanos y en el 2024, ganado bovino de biotipo lechero. Datos hasta la fecha mantienen que la transmisión de este virus entre mamíferos no es eficiente, aunque a medida que se continúa con la vigilancia se podrá dilucidar mayores detalles. Para obtener un listado detallado de las todas las especies afectadas por el virus de la influenza se invita visitar el website: <https://www.fao.org/animal-health/situation-updates/global-aiw-with-zoonotic-potential/bird-species-affected-by-h5nx-hpai/en>

Focalizando en la región de América, en los primeros meses del año 2025 se registraron brotes en aves y en mamíferos (Tabla Nº 5). El primer país en declarar la reintroducción en América del Sur fue Perú, seguido por Argentina en el mes de febrero, donde ocurrieron casos en aves de traspatio. Estados Unidos registró, como en el 2024, casos en bovinos lecheros, de los cuales de detectaron casos humanos en trabajadores ganaderos.

Tabla 5: Brotes de IA en animales. América. 2025

Países	Nº Brotes	En aves		En Mamíferos	
		Silvestres	Domésticos	Silvestres	Domesticos
Argentina	1		x		
Canadá	7		x		
USA	147		x	x	x
Islas Malvinas	1	x			
Panamá	1		x		
Perú	1		x		
Total	158				

Fuente: OPS

Tabla 6: Número de brotes de aves y mamíferos en América. 2022 a SE 8 2025.

Países	Nº Brotes	Silvestres	Domésticos	Silvestres	Domesticos
Argentina	147	x	x	x	
Bolivia	38	x	x		
Brasil	166	x	x	x	
Canadá	545	x	x	x	x
Chile	259	x	x	x	
Colombia	71	x	x		
Costa Rica	10	x	x		
Cuba	1	x	x		
Ecuador	37	x	x		
USA	2912	x	x	x	x
Guatemala	1	x			
Honduras	4	x			
Islas Malvinas	22	x		x	
México	86	x	x		
Panamá	10	x	x		
Paraguay	5		x		
Perú	372	x	x	x	
Uruguay	25	x	x	x	
Venezuela	2	x	x		
Total	4713				

Fuente: OMSA

Casuística humana

Desde los inicios de esta infección zoonótica en 2003, se han registrado 969 casos humanos a nivel global, concentrándose la mayores de ellos en países del oriente y Egipto. En referencia a nuestro continente, desde inicios del ingreso de la enfermedad en el año 2022, se contabilizaron 75 casos hasta febrero del corriente año. 71 de ellas ocurrieron en los Estados Unidos, 1 caso en Canadá en el 2024, otro en Chile en marzo del 2023 y un caso en Ecuador en enero del 2023. En el mes de abril de 2025, México notificó la primera defunción por gripe aviar en una niña de 3 años de la localidad de Durango. Hasta el momento se investigan las posibles fuentes de contagio, sin contar con antecedentes de riesgo. (Tabla Nº 7)

Considerando la vigilancia molecular genómica desde el inicio de 2020, los virus influenza A (H5N1) circulante en el continente americano pertenecen al genético 2.3.4.4b. Investigaciones de igual índole en relación a los casos humanos y bovinos lecheros de Estado Unidos, determinaron que existe estrecha relación entre los genotipos bovinos B3.13 y el clado humano nombrado anteriormente. Cabe destacar que 41 casos humanos de los 71 notificados por Estados Unidos, tuvieron relación con el contacto con los bovinos positivos.

A pesar de estos hallazgos, hasta el momento las secuencias de virus de estos casos humanos no han mostrado marcadores de adaptación en mamíferos ni de resistencia a antivirales.

Tabla 7: Casuística humana de IA a nivel mundial. OMS.

Países	2003-2009		2010-2014		2015-2019		2020-2024		2025		Total	
	Casos	Muertes	Casos	Muertes	Casos	Muertes	Casos	Muertes	Casos	Muertes	Casos	Muertes
Australia	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
Azerbaijan	8	5	0	0	0	0	0	0	0	0	8	5
Bangladesh	1	0	6	1	1	0	0	0	0	0	8	1
Camboya	9	7	47	30	0	0	16	6	2	2	74	45
Canada	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	2	1
Chile	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
China	38	25	9	5	6	1	3	1	0	0	56	32
Djibouti	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
Ecuador	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
Egipto	90	27	120	50	149	43	0	0	0	0	359	120
India	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	1
Indonesia	162	134	35	31	3	3	0	0	0	0	200	168
Iraq	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	3	2
Laos	2	2	0	0	0	0	1	0	0	0	3	2
Mexico	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1
Myanmar	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
Nepal	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	1
Nigeria	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1
Pakistan	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1
España	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	0
Thailand	25	17	0	0	0	0	0	0	0	0	25	17
Turkia	12	4	0	0	0	0	0	0	0	0	12	4
Gran Bretaña e Irlanda del Norte	0	0	0	0	0	0	5	0	1	0	6	0
Estados Unidos	0	0	0	0	0	0	68	1	3	0	71	1
Vietnam	112	57	15	7	0	0	2	1	0	0	129	65
Total											970	468

Definiciones hasta la fecha

Un informe conjunto entre FAO/OMS/WOAH (*Informe 19/03/2025*) concluyeron en considera hasta el momento al virus de la influenza A (H5N1) como de riesgo bajo para la salud pública. En el caso de personas expuestas ocupacionalmente, este es bajo a medio, contemplando las medidas de prevención y mitigación. Se espera que el contagio entre animales continúe, aunque limitado a los seres humanos.

Bibliografía

- <https://www.who.int/data/gho/map-gallery-search-results?&maptopics=82c0d61f-ccfd-41df-b9bd-3fc98bc84093>
- <https://www.who.int/data/gho/data/themes/global-influenza-virological-surveillance>
- [https://www.who.int/publications/m/item/updated-joint-fao-who-woah-assessment-of-recent-influenza-a\(h5n1\)-virus-events-in-animals-and-people_dec2024](https://www.who.int/publications/m/item/updated-joint-fao-who-woah-assessment-of-recent-influenza-a(h5n1)-virus-events-in-animals-and-people_dec2024)
- <https://www.fao.org/animal-health/situation-updates/global-aiv-with-zoonotic-potential/bird-species-affected-by-h5nx-hpai/en>
- <https://www.paho.org/sites/default/files/2025-03/2025-mar-4-phe-actualizacion-influenzaaviar-esp-final.pdf>
- https://www.argentina.gob.ar/sites/default/files/2024/04/comunicacion_aviar-19022025.pdf
- <https://falklands.gov.fk/agriculture/avian-influenza>
- https://www.argentina.gob.ar/sites/default/files/informe_ve_2023.pdf
- https://www.argentina.gob.ar/sites/default/files/informe_v.e._2024.pdf
- https://cdn.who.int/media/docs/default-source/influenza/h5n1-human-case-cumulative-table/2025_table_h5n1_march.pdf?sfvrsn=48cd7b0a_3&download=true
- [https://www.who.int/publications/m/item/cumulative-number-of-confirmed-human-cases-for-avian-influenza-a\(h5n1\)-reported-to-who--2003-2025--19-march-2025](https://www.who.int/publications/m/item/cumulative-number-of-confirmed-human-cases-for-avian-influenza-a(h5n1)-reported-to-who--2003-2025--19-march-2025)
- <https://www.fao.org/animal-health/situation-updates/global-aiv-with-zoonotic-potential/bird-species-affected-by-h5nx-hpai/en>